

H C V Y V L I E L S L H L S * Q S S V C I S T S V C I S L S * Q S
S S V C I S T D R S L S S S I V S I V C M Y * Y V C M Y * S I V S I

901 ATGACACACATATACTAGTATCTCTAGAGAGAGATGAGTATCTCTAGAGAGA 952

M T H I Y * Y L * R E M S I S R E
* H T Y T S I S R E R * V S L E R
D T H I L V S L E R D E Y L * R
H C V Y V L I E L S L H T D R S L
S V C I S T D R S L S S Y R * L S
V C M Y * Y R * L S I L I E L S