

1 ACTGCGTCTGTGTGTGCACACACTAACTGCGTCATGCTATGTGCATCAGCTCTGCGCAACTAGCGTCTGTATCGACATGCGTGACATAACGACTAC 100
T A S V C H T H * L R H A M C I T S A A T S V V L S T C V T * R L R
L R L C V T H T N C V M L C A S R L Q Q L A S C Y R H A * H N D Y
C V C V S H T L T A S C Y V H H V C S N * R R A I D M R D I T T T
S R R H T V C V L Q T M S H A D R R C C S A D H * R C A H C L S * A
Q T Q T D C V S V A D H * T C * T Q L L * R R A I S M R S M V V V
A D T H * V C * S R * A I H M V D A A V L T T S D V H T V Y R S R

101 GCCACTGCGTACACTGCTAGTAGCGATACGACATGCATGCACGCTAGCATGACTAGCAGCGACATGTAATATATACGCGCGCTCTCGTCATC 200
H T A Y T R Q * R Y D M H A C T L A * L A A T C K Y I R A L S S S
A T L R T L V S S D T T C M H A R * H D * Q R H V N I Y A R S R H R
P H C V H S S V A I R H A C M H A S M T S S D M * I Y T R A L V I
V S R V S T L L S V V H M C A R * C S * C R C T F I Y A R E R * R
G C Q T C E D T A I R C A H M C A L M V L L S M Y I Y V R A R T M A
W V A Y V R * Y R Y S M C A H V S A H S A A V H L Y I R A S E D D

201 GCAGTACGAATCCACCACATGCGTTTATATGGTACACGCTGTCATCAGCTAGCAGTACTGTCAGTACCCACGCGCGCTCTCGTTACGCGCGCTCTCGT 300
Q Y E S T T C V Y M V H V V H H V R L T V R T H A R S R Y A R S R
S T N P P H A F I W Y T S Y I T Y D S L Y V P T R A L V T R A L V
A V R I H H M R L Y G T R R T S Y T R T H C T Y P R A L S L R A L S S
L V F G G C A N I H Y V D Y M V Y S E S Y T G V R A R T V R A R T
T R I W W M R K Y P V R R V D R V V * Q V Y G R A S E N R A S E D
C Y S D V V H T * I T C T T C * T R S V T R V W A R E R * A R E R *

301 CATCTGTGTGCACACACTATGCTATGTGCATCAGCTCCACTGCGTACACGCGCTCTCGTATCGCGTCTCGTATCGCAGTACGAACGCGCTCTCGT 400
H L C H T H Y A M C I T S T L R T R V V L S R S R H R S T N A L S S
I C V T H T M L C A S R P H C V H A S C Y R A L V I A V R T R S R
S V S H T L C Y V H H V H T A Y T R R A I A L S S S Q Y E R A L V
M Q T V C V I S H A D R G C Q T C A D H * R A R T M A T R V R E R *
D T D C V S H * T C * T W V A Y V R R A I A S E D D C Y S R A R T
R H * V C * A I H M V D V S R V R T T S D R E R * R L V F A S E D

401 CATCGCAGTACGAACGCGCGCTCTCGTCCACTGCGTACACTACGCGCGCTCTCGTATCTGTGTGCACACACTAACGCGCGCTCTCGTTACGCGCG 500
S Q Y E T R A L V H T A Y T T R A L V I C V T H T N A R S R Y A R
H R S T K R A L S S T L R T L R A L S S S V S H T L T R A L V T R A
I A V R N A R S R P H C V H Y A R T R R A I A L S S S Q Y E R A L V
R L V F R A S E D V S R V S R A S E D D T D C V S V R A R T V R A
M A T R F A R E R G C Q T C * A R E R * R H * V C * R A S E N R A S
D C Y S V R A R T W V A Y V V R A R T M Q T V C V L A R E R * A R

501 CTCTCGTATCGCGCTCTCGTATCGCAGTACGAACGCGCGCTCTCGTATCGCAGTACGAACGCGCGCTCTCGTCCACTGCGTACACTACGCGCGCT 600
S R H P R S R H R S T N A L S S S Q Y E T R A L V H T A Y T T R A
L V I R A L V I A V R T R S R H R S T K R A L S S T L R T L R A L
L S S A L S S Q Y E R A L V I A V R N A R S R P H C V H Y A R S
R T M R A R T M A T R V R E R * R L V F R A S E D V S R V S R A S
E D D A S E D D C Y S R A R T M A T R F A R E R G C Q T C * A R E
E R * G R E R * R L V F A S E D D C Y S V R A R T W V A Y V V R A R

601 CTCGTCATCTGTGTGCACACACTACCACACTGCGTACACTACGCGCGCTCTCGTATCGCGCTCTCGTATCGCAGTACGAACGCGCGCTCTCGTCC 700
L V I C V T H T T T L R T L R A L S S S A L S S S Q Y E T R A L V H
S S V S H T L P H C V H Y A R S R H P R S R H R S T K R A L S S
R H L C H T H Y H T A Y T T R A L V I R A L V I A V R N A R S R P
E D D T D C V S G C Q T C * A R E R * G R E R * R L V F R A S E D V
R * R H * V C * W V A Y V V R A R T M R A R T M A T R F A R E R G
T M Q T V C V V V S R V S R A S E D D A S E D D C Y S V R A R T W

701 AACTGCGTACACTACGCGCGCTCTCGTATCTGTGTGCACACACTACCACACTGCGTACACCGCGCTCTCGTATCGCAGTACGAACCACTGCGTA 800
T A Y T T R A L V I C V T H T T T L R T P R S R H R S T N H T A Y
T L R T L R A L S S S V S H T L P H C V H R A L V I A V R N T T L R T
H C V H Y A R S R H L C H T H Y H T A Y T A L S S S Q Y E P H C V
S R V S R A S E D D T D C V S G C Q T C R A R T M A T R V V S R V
C Q T C * A R E R * R H * V C * W V A Y V A S E D D C Y S G C Q T C
V A Y V V R A R T M Q T V C V V V S R V G R E R * R L V F W V A Y

801 CACTACGCGCGCTCTCGTATCTGTGTGCACACACTACCACACTGCGTACACTACGCGCGCTCTCGTATCAGCGCGCTCTCGTCCACTGCGTACA 900
T T R A L V I C V T H T T T L R T L R A L S S S R A L S S T L R T
L R A L S S S V S H T L P H C V H Y A R S R H H A R S R P H C V H
H Y A R S R H L C H T H Y H T A Y T T R A L V I T R A L V H T A Y T
S R A S E D D T D C V S G C Q T C * A R E R * * A R E R G C Q T C

* A R E R * R H * V C * W V A Y V V R A R T M V R A R T W V A Y V
V V R A R T M Q T V C V V V S R V S R A S E D D R A S E D V S R V S

901 CTACGCGGCTCTCGTCATCTGTGTCACACACTACATCTGTGTCACACAC 952

L R A L S S S V S H T L H L C H T
Y A R S R H L C H T H Y I C V T H
T R A L V I C V T H T T S V S H
* A R E R * R H * V C * M Q T V C
V R A R T M Q T V C V V D T D C V
R A S E D D T D C V S C R H * V