

1 ATCGTGCTCGCGCTATATATATCAATCGTGCTACGTCACGCGTACTATGCTCGTAGTAATCAGTGCTGCGTCACTGATACGTCGATACAATGATCAT 100
I V L A R Y I Y Q S C Y V T R T M L V V I S A A S L I R A I Q * S C
S C S R A I Y I N R A T S R V L C S * * S V L R H * Y V R Y N D H
R A R A L Y I S I V L R H A Y Y A R S N Q C C V T D T C D T M I M
D H E R A I Y I L R A V D R T S H E Y Y D T S R * Q Y T R Y L S * T
R A R A S Y I D I T S R * A Y * A R L L * H Q T V S V H S V I I M
T S A R * I Y * D H * T V R V I S T T I L A A D S I R A I C H D H

101 GTTATATCGTGATATCTGCTAGCAGTGACATGATACGTCAGTACGTATGTCAGTACGATCAGTAGTGATACGCAACACACATGTGTCTCTGCTACT 200
Y I V H I C * Q * H D T Y V R M S V R S V V I R K H T C V S L L L
V I S C I S A S S D M I R T Y V C Q Y D Q * * Y A N T H V C L C Y C
L Y R A Y L L A V T * Y V R T Y V S T I S S D T Q T H M C V S A T
I D H M D A L L S M I R V Y T H * Y S * Y H Y A F V C T H R Q * Q
N Y R A Y R S A T V H Y T R V Y T L V I L L S V C V C M H T E A V T
* I T C I Q * C H C S V Y T R I D T R D T T I R L C V H T D R S S

201 GTAGCATGAACCTATTATACGTCGCCACCGCATATGCTGCATACTATGCATGATCTATCGCATGCATTTATGTGTGTCTCTGCCATGTGTGTCTCTGCG 300
* H E L I I R A H T A Y A A Y Y A * S I A C I Y V C L C H V C L C
S M N L L Y V P T R H M L H T M H D L S H A F M C V S A M C V S A
V A * T Y Y L L A V T * Y V R M H L C V S L P C V S L L
L M F K N Y T G V R C I S C V I C S R D C A N I H T E A M H T E A
A H V * * V H G C P M H Q M S H M I * R M C K H T D R G H T D R S
Y C S S I I R A W V A Y A A Y * A H D I A H M * T H R Q W T H R Q *

301 TACTCGCGCTATATATATACGTCACGCGTACTATGCTTATATCGTGATATGTGTCGCTCACTGTGTCTCTGCTACTGTAGCATGAATGTGTCTCTGCG 400
Y S R Y I Y H V T R T M L I S C I C A A S L C L C Y C S M N V S L L
T R A I Y I T S R V L C L Y R A Y V L R H C V S A T V A * M C L C
L A L Y I S R H A Y Y A Y I V H M C C V T V S L L L * H E C V S A
V R A I Y I V D R T S H K Y R A Y T S R * Q T E A V T A H I H R Q *
S A S Y I D R * A Y * A * I T C I H Q T V T D R S S Y C S H T E A
E R * I Y * T V R V I S I D H M H A A D S H R Q * Q L M F T D R S

401 TACTGTAGCATGAATGTGTCTCTGCTTATATCGTGATATCATGTGTGTCTCTGCTACTCGCGCTATATATATCAATGTGTGTCTCTGCCATGTGTG 500
L * H E M C V S A Y I V H I M C V S A T R A I Y I N V C L C H V C
Y C S M K C V S L L I S C I S C V S L L L A L Y I S M C V S A M C V
T V A * N V C L C L Y R A Y H V C L C A Y S R Y I Y Q C V S L P C V
Q L M F H T D R S I D H M D H T D R S S A S Y I D I H T E A M H T
V T A H F T H R Q K Y R A Y * T H R Q * E R * I Y * H T D R G H T D
S Y C S I H T E A * I T C I M H T E A V R A I Y I L T H R Q W T H

501 TCTCTGCTACTGTGTCTCTGCTACTGTAGCATGAATGTGTCTCTGCTACTGTAGCATGAATGTGTGTCTCTGCTTATATCGTGATATCATGTGTGTC 600
L C Y L C L C Y C S M N V S L L L * H E M C V S A Y I V H I M C V
S A T C V S A T V A * M C L C Y C S M K C V S L L I S C I S C V S
S L L L V S L L L * H E C V S A T V A * N V C L C L Y R A Y H V C L
E A V Q T E A V T A H I H R Q * Q L M F H T D R S I D H M D H T D
R S S T D R S S Y C S H T E A V T A H F T H R Q K Y R A Y * T H R
R Q * K H R Q * Q L M F T D R S S Y C S I H T E A * I T C I M H T E

601 TCTGCTACTCGCGCTATATATATCATTATATCGTGATATCATGTGTGTCTCTGCTACTGTGTGTCTCTGCTACTGTAGCATGAATGTGTGTCTCTGCTT 700
S A T R A I Y I I I S C I S C V S L L L V S L L L * H E M C V S A Y
L L L A L Y I S L Y R A Y H V C L C Y L C L C Y C S M K C V S L L
C Y S R Y I Y H Y I V H I M C V S A T C V S A T V A * N V C L C L
R S S A S Y I D N Y R A Y * T H R Q * K H R Q * Q L M F H T D R S I
Q * E R * I Y * * I T C I M H T E A V Q T E A V T A H F T H R Q K
A V R A I Y I M I D H M D H T D R S S T D R S S Y C S I H T E A *

701 ATATCGTGATATCATGTGTGTCTCTGCTACTCGCGCTATATATATCATTATATCGTGATATGTGTGTCTCTGCTACTGTAGCATGAATATATCGTGCA 800
I V H I M C V S A T R A I Y I I I S C I L C L C Y C S M N Y I V H
I S C I S C V S L L L A L Y I S L Y R A Y C V S A T V A * I I S C I
Y R A Y H V C L C Y S R Y I Y H Y I V H I V S L L L * H E L Y R A
D H M D H T D R S S A S Y I D N Y R A Y Q T E A V T A H I I D H M
Y R A Y * T H R Q * E R * I Y * * I T C I T D R S S Y C S N Y R A Y
I T C I M H T E A V R A I Y I M I D H M N H R Q * Q L M F * I T C

801 TATCATGTGTGTCTCTGCTACTCGCGCTATATATATCATTATATCGTGATATCATGTGTGTCTCTGCTACTGTGTGTCTCTGCTTATATCGTGATA 900
I M C V S A T R A I Y I I I S C I S C V S L L L C V S L L I S C I
S C V S L L L A L Y I S L Y R A Y H V C L C Y Y V C L C L Y R A Y
Y H V C L C Y S R Y I Y H Y I V H I M C V S A T M C V S A Y I V H I
D H T D R S S A S Y I D N Y R A Y * T H R Q * * T H R Q K Y R A Y

* T H R Q * E R * I Y * * I T C I M H T E A V I H T E A * I T C I
I M H T E A V R A I Y I M I D H M D H T D R S S H T D R S I D H M D

901 TCATGTGTGCTCTGCTACTCGCGCTATATATATCATACTCGCGCTATATAT 952

S C V S L L L A L Y I S Y S R Y I
H V C L C Y S R Y I Y H T R A I Y
M C V S A T R A I Y I I L A L Y
* T H R Q * E R * I Y * V R A I Y
M H T E A V R A I Y I M S A S Y I
H T D R S S A S Y I D Y E R * I